


精準醫學核心實驗室檢驗資訊表

更新日期：2023 年 11 月 04 日

PM.QP004-01

檢驗項目名稱	次世代定序白血病基因檢測	計價碼	14996-10
檢體種類	血液/骨髓/石蠟包埋組織	檢體量	(1)組織 5µm 七片 (2)血液/骨髓 10 mL
採檢適用容器	大紫頭管(含 EDTA 抗凝固劑) 		
禁食限制	無	加作檢驗	不適用
採檢注意事項	1. 採血後以 180 度輕微搖晃試管 10 下 2. 血液/骨髓若無法當天送達，請保存在 4°C 冰箱，兩天內送達實驗室		
輸送條件	1. 永康院區內：常溫，24 小時內送至實驗室；4°C 保存，兩天內送達實驗室(血液/骨髓) 2. 非永康院區：常溫，24 小時內送至實驗室；4°C 保存，兩天內送達實驗室(血液/骨髓)		
檢驗儀器	Illumina® NovaSeq 6000 System、5300 Fragment Analyzer System		
檢驗方法	次世代定序(Next Generation Sequencing, NGS)		
檢驗試劑	FusionPlex® Reagents for Illumina		
報告完成時間	收到合格檢體後 14 個工作天		
生物參考區間	Not detected	危險臨界值	無
臨床意義	針對癌症組織檢體檢測 199 個融合基因，協助醫師掌握病患病情，為病患找出更多的治療選擇。		
干擾因素	1. 鹽類、蛋白質、Heparin、detergent(Triton X-100 或 SDS 等)、有機化合物(酚類、氯仿、酒精等)殘留會干擾突變檢測之進行。 2. RNA 品質不佳會影響文庫定量的濃度。 3. 組織採檢 5 年以上，可能因 deamination 導致偽陽性結果，也可能因核酸片段碎裂導致偽陰性結果。 4. 骨頭組織應使用 EDTA 脫鈣，應避免使用酸性溶液，導致 RNA 的量過低。		
操作組別/分機	精準醫學核心實驗室/52619		
委外代檢	<input checked="" type="checkbox"/> 否 <input type="checkbox"/> 委外代檢 代檢機構：_____ 聯絡電話：_____		

	地址：
備註	<p>1. 檢測限制：陰性結果不能完全排除突變或融合基因的存在，樣本中腫瘤細胞過少，過度降解或擴增反應體系中突變 DNA 濃度或融合基因濃度低於檢測限亦可造成陰性結果。</p> <p>2. 結果判讀：上傳至 Archer Perform Analysis 進行資料分析。</p>

Archer Pan Heme Panel 基因檢測

ABL1	ABL2	AICDA	AKT3	ALK	ASB13	ASXL1	BATF3
BAX	BCL11B	BCL2	BCL2A1	BCL3	BCL6	BCR	BIRC3
BLNK	BMF	BMP7	BRAF	BTK	CALR	CARD11	CBFB
CBL	CCDC50	CCND1	CCND2	CCND3	CD274	CD44	CD79B
CDC25A	CDK6	CDKN2A	CDKN2B	CEBPA	CEBPD	CEBPE	CEBPG
CHD1	CHIC2	CIITA	CREB3L2	CREBBP	CRLF2	CSF1R	CSF3R
CTLA4	CYB5R2	DCK	DEK	DENND3	DLEU1	DNM2	DNMT3A
DNMT3B	DNIT	DUSP22	E2F2	EBF1	EIF4A1	ENTPD1	EPOR
ERG	ETV6	EXOC2	EZH2	FAM216A	FBXW7	FGFR1	FGFR2
FGFR3	FLT3	FOXP1	FUT8	GATA1	GATA2	GLIS2	GNAS
HOXA10	HOXA9	ID4	IDH1	IDH2	IKZF1	IKZF2	IKZF3
IL16	IL7R	IRF4	IRF8	ITPKB	JAK1	JAK2	JAK3
KAT6A	KDM6A	KIAA0101	KIT	KLF2	KMT2A	KRAS	LIMD1
LMO1	LMO2	LRMP	LYL1	LZTS1	MAL	MALT1	MAML3
MECOM	MKL1	MLF1	MLLT10	MLLT4	MME	MPL	MUC1
MYBL1	MYC	MYD88	MYH11	NEK6	NF1	NFKB1	NFKB2

NME1	NOTCH1	NOTCH2	NPM1	NRAS	NTSC2	NTRK3	NUP214
NUP98	P2RY8	PAG1	PAICS	PAX5	PBX1	PDCD1	PDCD1LG2
PDGFRA	PDGFRB	PHF6	PICALM	PIM1	PIM2	PLCG1	PLCG2
PML	PPAT	PRDM16	PRKAR2B	PTK2B	PTPN1	PTPN11	PYCR1
RAB29	RAG1	RAG2	RANBP1	RARA	RBM15	RHOA	ROS1
RUNX1	RUNX1T1	S1PR2	SEMA6A	SERPINA9	SETBP1	SETD2	SF3B1
SH2B3	SH3BP5	SLC29A1	SOX11	SRSF2	STAT3	STAT5B	STAT6
STIL	STRBP	TAL1	TCF3	TFG	TLX1	TLX3	TNFRSF13B
TNFSF4	TP63	TYK2	U2AF1	WT1	XPO1	ZCCHC7	

LEGEND

- SNV/Indel
- Fusion, splicing or exon-skipping
- Expression